

CES-11



Algoritmos e Estruturas de Dados

Carlos Alberto Alonso Sanches
Juliana de Melo Bezerra

CES-11



- Balanceamento de árvores
 - Árvores balanceadas
 - Árvores AVL
 - Inserção em árvores AVL
 - Eliminação em árvores AVL
 - Altura de árvores AVL
 - Implementação
 - Comentários finais

CES-11



- Balanceamento de árvores
 - Árvores balanceadas
 - Árvores AVL
 - Inserção em árvores AVL
 - Eliminação em árvores AVL
 - Altura de árvores AVL
 - Implementação
 - Comentários finais

Árvores balanceadas



- Uma árvore binária de busca não garante acesso em tempo logarítmico.
 - Inserções ou eliminações podem desbalanceá-la.
 - Pior caso: a árvore degenera em lista ligada, onde a busca passa a gastar tempo linear.
- Balanceamento das árvores binárias de busca:
 - Evitam esses casos degenerados.
 - Garantem tempo logarítmico para todas as operações.
 - Requerem algoritmos mais elaborados para inserção e eliminação.
 - De modo geral, os nós das árvores balanceadas armazenam mais informações.
- As árvores AVL são um conhecido e importante exemplo.

CES-11

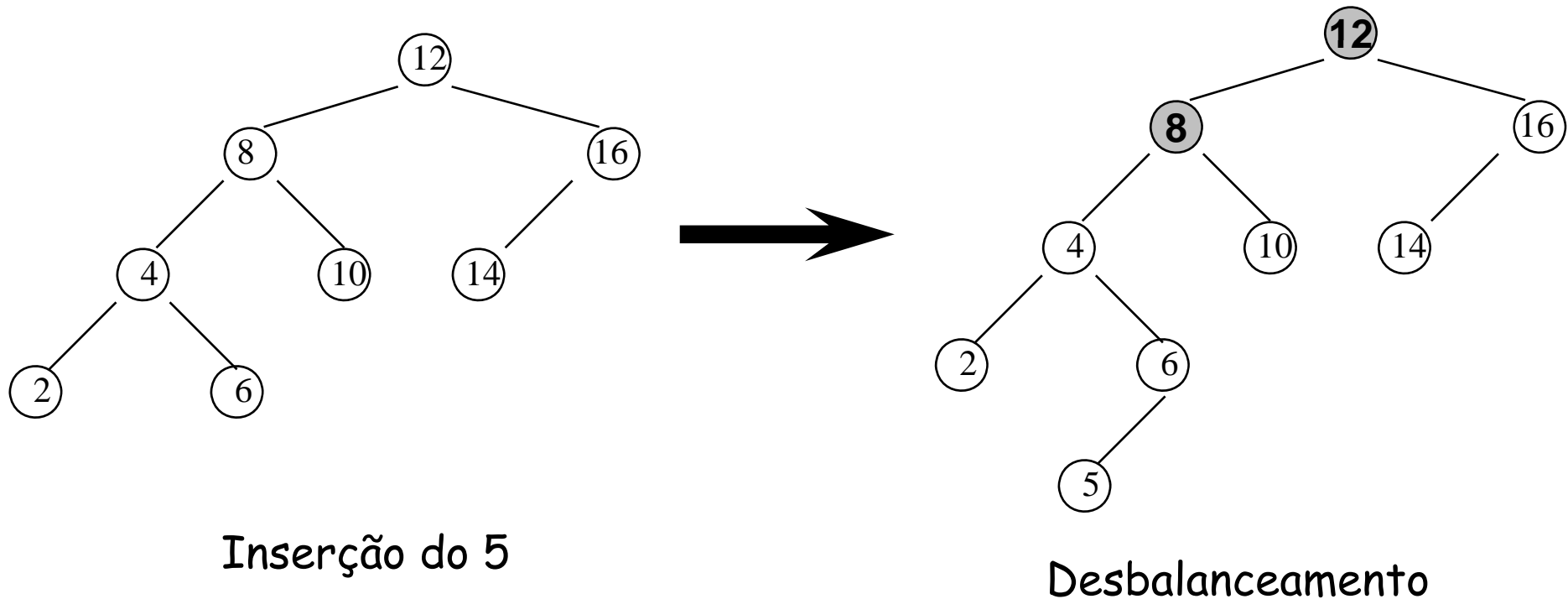


- Balanceamento de árvores
 - Árvores balanceadas
 - **Árvores AVL**
 - Inserção em árvores AVL
 - Eliminação em árvores AVL
 - Altura de árvores AVL
 - Implementação
 - Comentários finais

Árvores AVL

- Autores: Adelson-Velskii e Landis (1962).
- Foi o primeiro modelo de balanceamento proposto para árvores binárias de busca.
- Exigências para as sub-árvores de cada nó:
 - Diferença de alturas não pode exceder 1
 - Pode ser mantida sem onerar o tempo das operações
 - Garante altura logarítmica para a árvore
- Definição: uma árvore AVL é uma árvore binária de busca em cujos nós as alturas das sub-árvores diferem no máximo de uma unidade.

Árvores AVL



Após cada inserção ou eliminação, é necessário verificar o balanceamento de todos os nós da árvore

CES-11

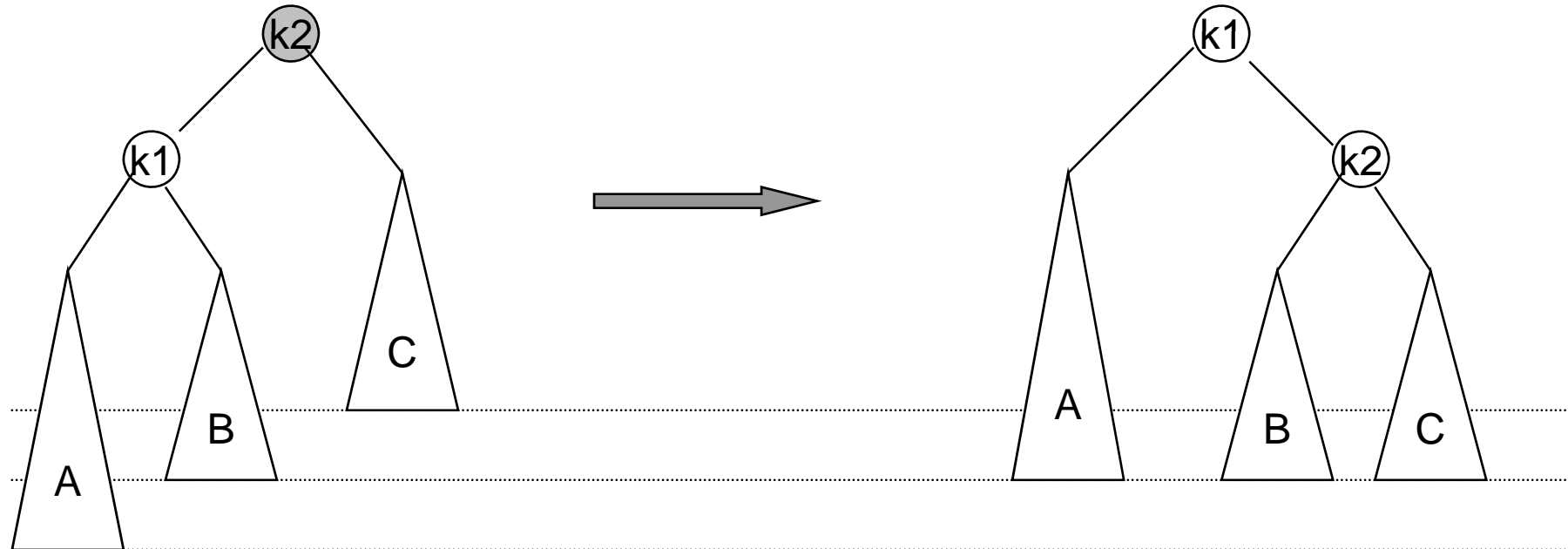


- Balanceamento de árvores
 - Árvores balanceadas
 - Árvores AVL
 - **Inserção em árvores AVL**
 - Eliminação em árvores AVL
 - Altura de árvores AVL
 - Implementação
 - Comentários finais

Inserção em árvores AVL

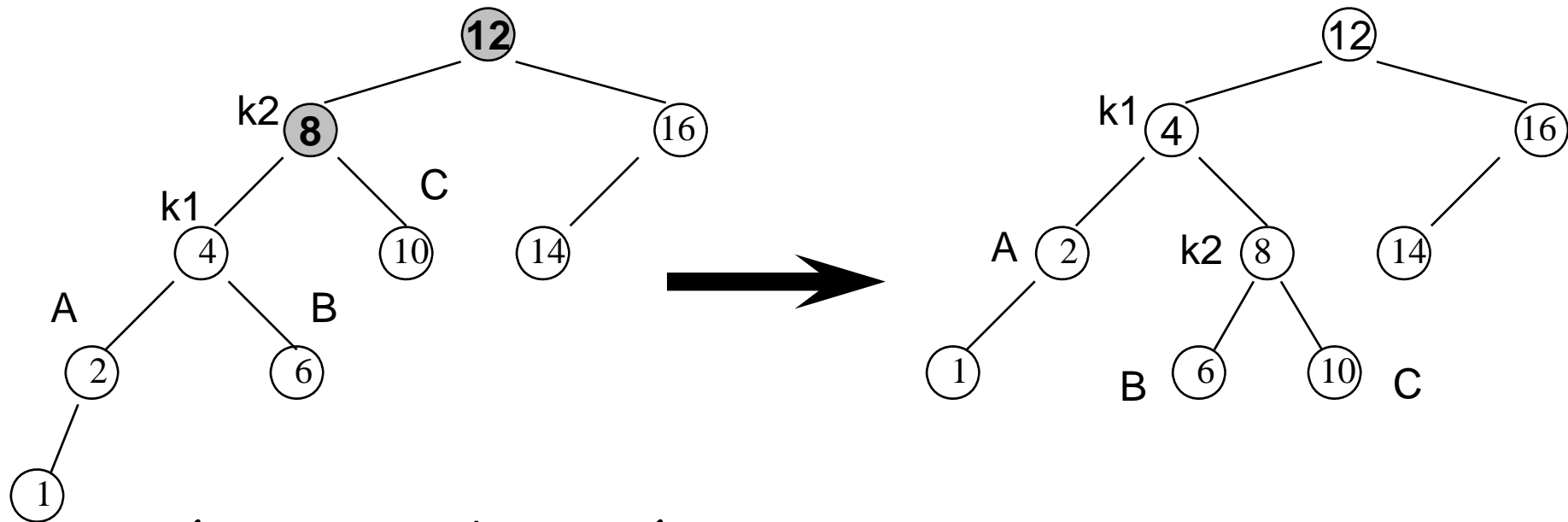
- Após uma inserção, somente podem ficar desbalanceados os nós do caminho da raiz até esse novo nó.
- Nesse caminho, é preciso encontrar o nó mais profundo (nível mais alto) no qual ocorreu desbalanceamento.
 - Veremos que basta rebalancear esse nó!
- Supondo que X seja esse nó, possíveis casos a serem analisados:
 - a) árvore esquerda do filho esquerdo de X
 - b) árvore direita do filho esquerdo de X
 - c) árvore esquerda do filho direito de X
 - d) árvore direita do filho direito de X
- Casos simétricos: a e d (caso 1); b e c (caso 2).

Caso 1: rotação simples



- k_2 é nó mais profundo que sofreu desbalanceamento
 - Sua sub-árvore esquerda ficou 2 níveis abaixo da direita
 - B não está no mesmo nível de A (pois k_2 estaria desbalanceado antes da inserção)
 - B não está no mesmo nível que C (pois k_1 seria o nó mais profundo)

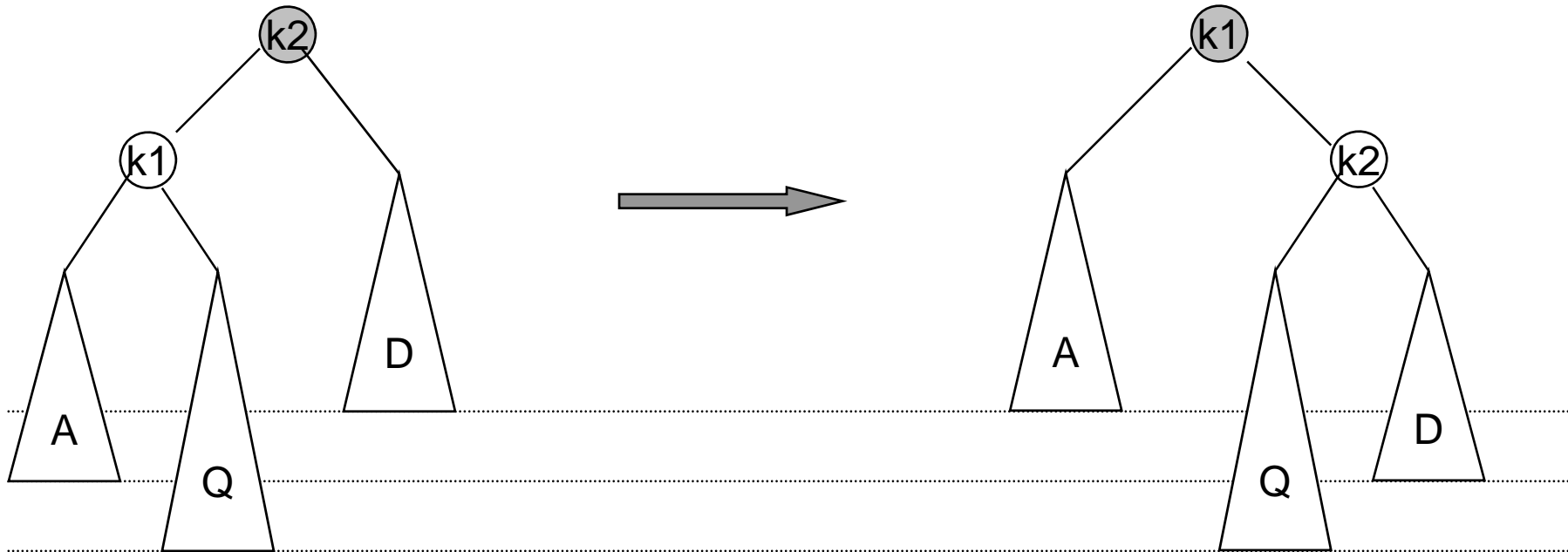
Exemplo



■ A árvore resultante é AVL

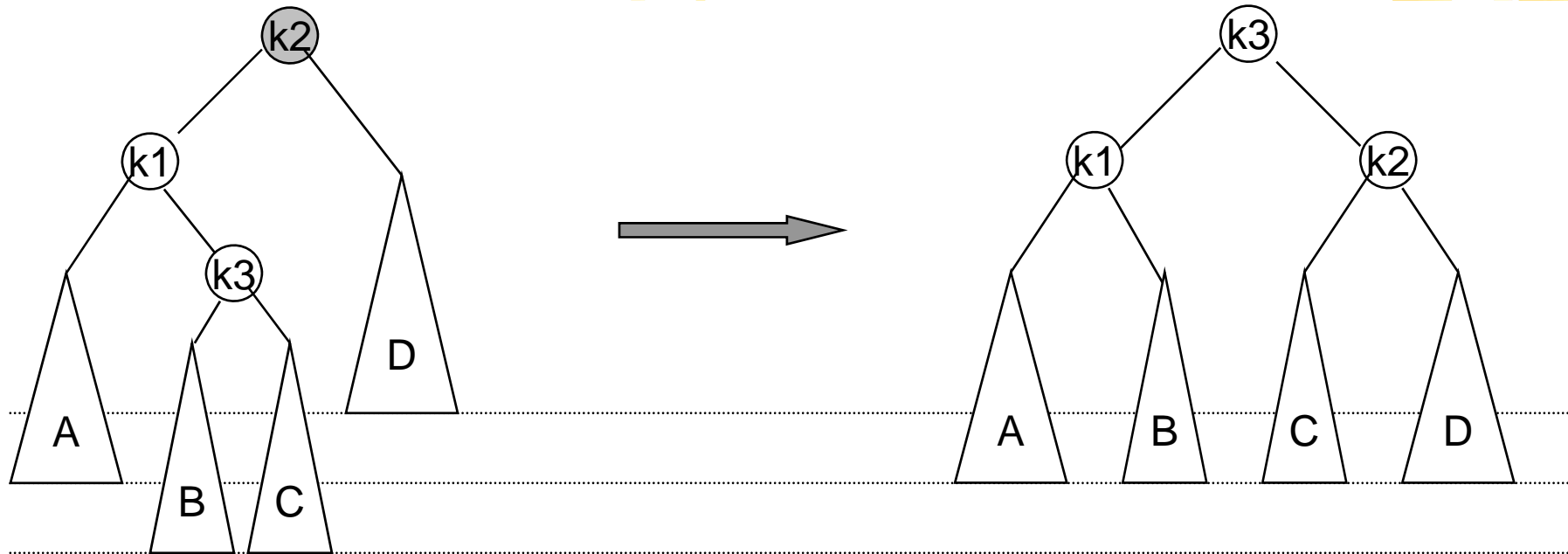
- k1 e k2 ficam balanceados
- A altura da árvore resultante é igual à da árvore anterior à inserção
- A troca de ponteiros pode ser feita em tempo constante
- O nó k2 pode ser encontrado em tempo proporcional à altura da árvore

Caso 2



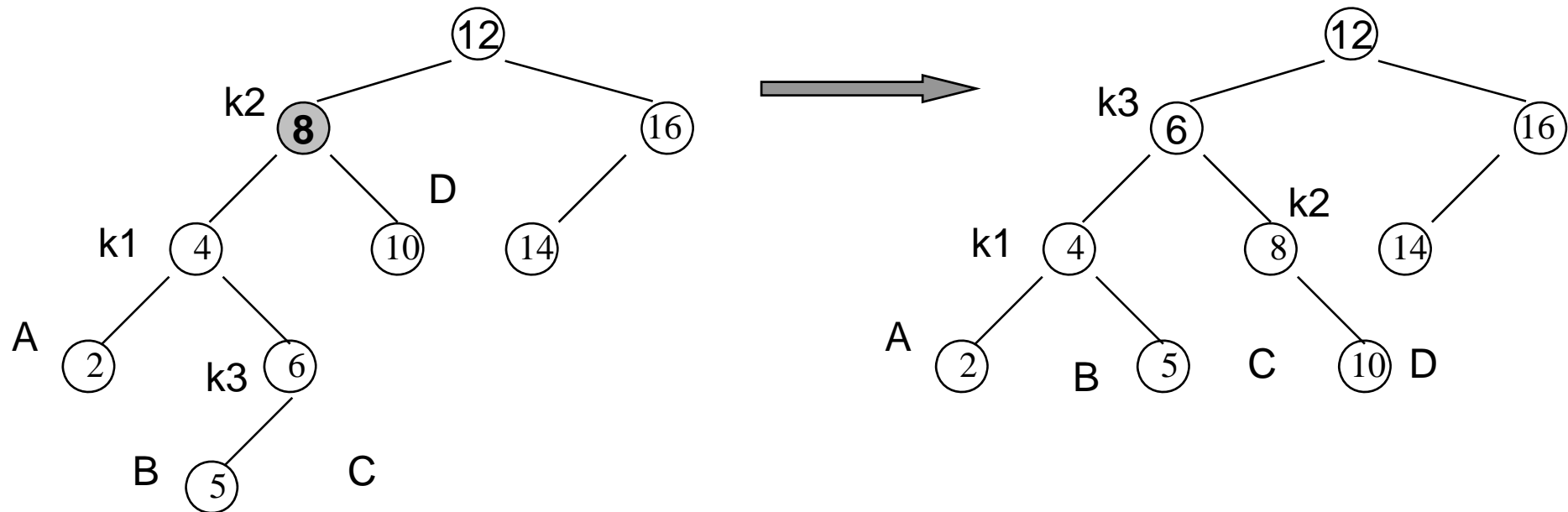
- Uma rotação simples não resolveria o desbalanceamento
 - A sub-árvore Q, que está a 2 níveis de diferença de D, passaria a estar a 2 níveis de diferença de A

Caso 2: rotação dupla



- Uma (e somente uma) das sub-árvores B ou C está 2 níveis abaixo de D
 - k_3 ficaria na raiz
 - As novas posições de k_1 , k_2 e das sub-árvores respeitam a ordenação
 - A altura da árvore resultante é igual à da árvore anterior à inserção

Exemplo



- Essa rotação dupla corresponde a 2 rotações simples
 - Entre k1 e k3
 - Entre k2 e k3
- Também pode ser feita em tempo constante

CES-11



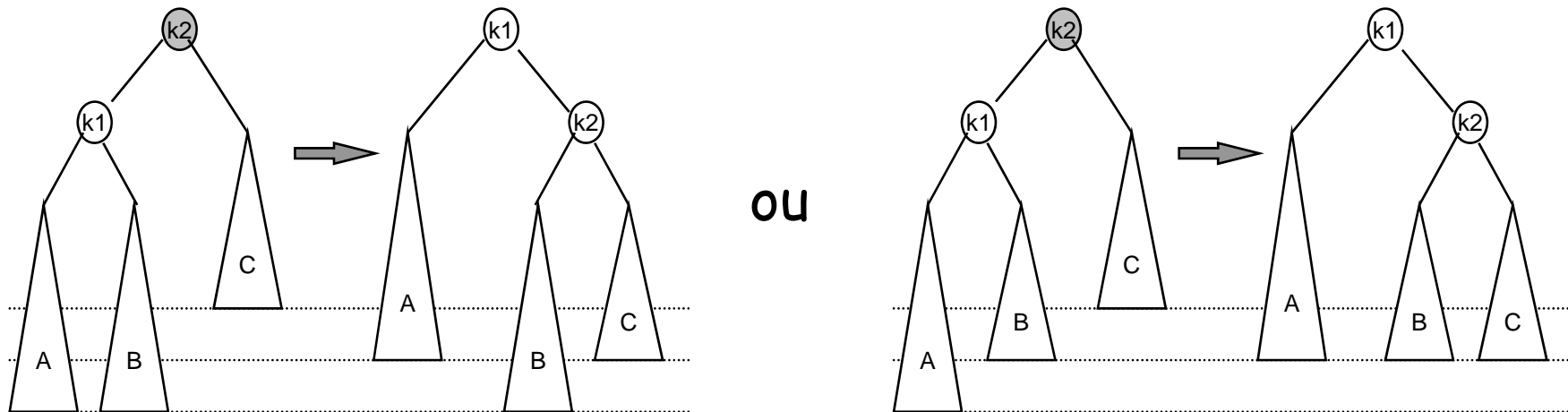
- Balanceamento de árvores
 - Árvores balanceadas
 - Árvores AVL
 - Inserção em árvores AVL
 - **Eliminação em árvores AVL**
 - Altura de árvores AVL
 - Implementação
 - Comentários finais

Eliminação em árvores AVL

- A eliminação de um nó numa árvore AVL é, inicialmente, análoga à que ocorre numa árvore binária de busca:
 - Se for folha, basta eliminá-la.
 - Se tiver um único filho, ele ficará em sua posição.
 - Se tiver dois filhos, elimina-se o nó mais à esquerda da sua sub-árvore direita, cujo valor passará a ser armazenado em seu lugar.
- É fácil perceber que essa técnica pode provocar desbalanceamentos na árvore AVL.
- O rebalanceamento começará no nó mais profundo que, após a eliminação, perdeu a propriedade AVL.
- Do modo semelhante às inserções, será preciso verificar seis possíveis casos, simétricos dois a dois.

Casos de rotação simples

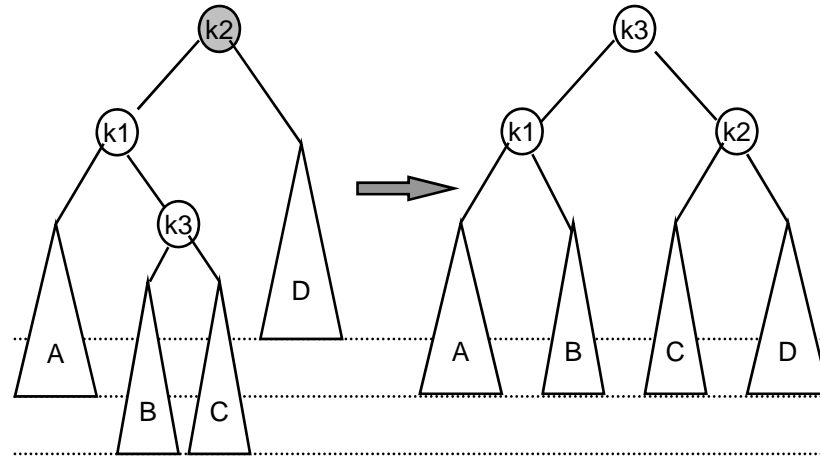
- Nos dois esquemas abaixo, como a eliminação ocorreu na sub-árvore *C*, bastará realizar uma rotação simples:



- No segundo esquema, a sub-árvore resultante diminuiu de altura (uma unidade).
 - Por isso, também será preciso realizar um eventual rebalanceamento no pai de *k1*. Isso pode continuar até a raiz...
- Há também os correspondentes casos simétricos a esses esquemas (*C* é inicialmente a sub-árvore esquerda de *k2*).

Casos de rotação dupla

- No esquema abaixo, B ou C podem ter altura menor (uma unidade). Como a eliminação ocorreu na sub-árvore D, será preciso realizar uma rotação dupla:



- A sub-árvore resultante diminuiu de altura (uma unidade).
 - Por isso, também será preciso realizar um eventual rebalanceamento no pai de k_3 . Isso pode continuar até a raiz...
- Há também o caso simétrico, onde D é inicialmente a sub-árvore esquerda de k_2 e k_3 é filho esquerdo de k_1 .

CES-11



- Balanceamento de árvores
 - Árvores balanceadas
 - Árvores AVL
 - Inserção em árvores AVL
 - Eliminação em árvores AVL
 - *Altura de árvores AVL*
 - Implementação
 - Comentários finais

Altura de árvores AVL

- Seja $n(h)$ o número mínimo de nós de uma árvore AVL com altura h .
- Sabemos que $n(0)=1$ e $n(1)=2$.
- Para $h>1$, essa árvore AVL mínima será formada pela raiz, por uma sub-árvore de altura $h-1$ e por outra sub-árvore de altura $h-2$.
- Portanto, $n(h) = 1 + n(h-1) + n(h-2)$, para $h>1$.
- Como $n(h-1) > n(h-2)$, sabemos que $n(h) > 2.n(h-2)$.
- Repetindo:
 - $n(h) > 2.n(h-2) > 2.(2.n(h-2-2)) = 4.n(h-4)$
 - $n(h) > 4.n(h-4) > 4.(2.n(h-4-2)) = 8.n(h-6)$
 - Generalizando: $n(h) > 2^i.n(h-2i)$, para $i>0$.

Altura de árvores AVL

- $n(h) > 2^i \cdot n(h-2i)$, para $i > 0$.
- Consideremos o caso $h-2i = 1$, ou seja, $i = (h-1)/2$:
 - $n(h) > 2^{(h-1)/2} \cdot n(1)$
 - $n(h) > 2 \cdot 2^{(h-1)/2}$
 - $n(h) > 2^{(h+1)/2}$
 - $\lg n(h) > (h+1)/2$
 - $h < 2 \cdot \lg n(h) - 1$
- $h = O(\log n)$, ou seja, a altura de uma árvore AVL é de ordem logarítmica em relação ao seu número de nós.
- Portanto, os algoritmos de inserção, de eliminação e de busca na árvore AVL são logarítmicos!

Altura de árvores AVL

- Por outro lado, é possível verificar que $n(h) = F(h+3) - 1$, onde $F(i)$ é o i -ésimo número de Fibonacci.
- Mais precisamente, sabe-se que $h < 1,44 \cdot \lg(n+2)$, onde h é a altura e n é o número de nós de uma árvore AVL, ou seja, o pior caso tem um fator multiplicativo pequeno.
- Em 1998, Knuth mostrou que, para n grande, a altura média de uma árvore AVL é $\lg n + 0,25$.

CES-11



- Balanceamento de árvores
 - Árvores balanceadas
 - Árvores AVL
 - Inserção em árvores AVL
 - Eliminação em árvores AVL
 - Altura de árvores AVL
 - **Implementação**
 - Comentários finais

Implementação

- Vimos que, nas árvores AVL, inserções e eliminações gastam, no pior caso, tempo proporcional à altura da árvore, que por sua vez é proporcional ao logaritmo do número de nós.
- Na sua implementação, o que seria preciso acrescentar à estrutura de dados?
- Em cada nó, basta manter uma *flag* de três valores (-1, 0 ou 1) que indica a diferença entre as alturas das suas sub-árvores.

CES-11



- Balanceamento de árvores
 - Árvores balanceadas
 - Árvores AVL
 - Inserção em árvores AVL
 - Eliminação em árvores AVL
 - Altura de árvores AVL
 - Implementação
 - **Comentários finais**

Comentários finais



- Na literatura, há vários modelos de árvores binárias de busca balanceadas.
- Esta estrutura é muito adequada para pesquisa em memória primária, pois satisfaz simultaneamente alguns requisitos conflitantes:
 - Acesso direto eficiente (tempo logarítmico)
 - Acesso sequencial eficiente (tempo linear)
 - Inserção e eliminação eficientes (tempo logarítmico)
 - Boa taxa de utilização da memória
- Para pesquisa em memória secundária, também há uma boa diversidade de modelos. O mais conhecido é a árvore B (Bayer e McCreight, 1972).